

Einsender:

Patientendaten:

HLA-Diagnostik für Stammzell-Transplantationen

- | | | |
|--------------------------|--|---|
| <input type="checkbox"/> | Patiententypisierung vor geplanter SCT (Ersttypisierung)
HLA-A*, -B*, -C*, -DRB1*, -DQB1*, DPB1* IR/HR | Material: 10ml EDTA-Blut
(Profil 1) |
| <input type="checkbox"/> | Patiententypisierung vor geplanter SCT (Bestätigungstypisierung)
HLA-A*, -B*, -C*, -DRB1*, -DQB1*, DPB1* HR | Material: 10ml EDTA-Blut
(Profil 2) |
| <input type="checkbox"/> | Familiärentypisierung (Spendersuche Kernfamilie)
HLA-A*, -B*, -C*, -DRB1*, -DQB1* IR/LR
bei Übereinstimmung mit Patient zusätzlich:
HLA-DRB1*, -DQB1*, -DPB1* HR | Material: 10ml EDTA-Blut
(Profil 3) |
| <input type="checkbox"/> | Familiärentypisierung (Bestätigungstypisierung)
HLA-A*, -B*, -C*, -DRB1*, -DQB1*, DPB1* HR | Material: 10ml EDTA-Blut
(Profil 9) |
| <input type="checkbox"/> | Fremdspenderentypisierung
HLA-A*, -B*, -C*, -DRB1*, -DQB1*, DPB1* HR | Material: 10ml EDTA-Blut
(Profil 4) |

Diagnose:

Entnahmedatum/Uhrzeit: _____ **Unterschrift:** _____

Zusammensetzung der Profile entsprechend den DGI, ZKRD und EFI-Standards

LR low Resolution

IR intermediate Resolution (Klasse I: Exon 2+3; Klasse II: Exon 2): kein Ausschluss von Null-Allelen und Ambiguitäten, Befund-Code* für sequenzhomologe Allele und Allelkombinationen, ggf. Angabe des serologischen Äquivalents

HR high Resolution: Zusätzlich zur IR: Ausschluss von Null-Allelen und Ambiguitäten

* Code: www.ebi.ac.uk/imgt/hla/ambig.html