



**Einsender:**

**Patientendaten:**

## HLA-Diagnostik für Stammzell-Transplantation

- |   |   |
|---|---|
| <input type="checkbox"/> <b>Patiententypisierung vor geplanter SCT (Ersttypisierung)</b><br>HLA-A*, -B*, -C*, -DRB1*, -DQB1*, DPB1* <b>IR/HR</b>  | <b>Material: 10ml EDTA-Blut</b><br>(Profil 1) |
| <input type="checkbox"/> <b>Patiententypisierung vor geplanter SCT (Bestätigungstypisierung)</b><br>HLA-A*, -B*, -C*, -DRB1*, -DQB1*, DPB1* <b>HR</b>   | <b>Material: 10ml EDTA-Blut</b><br>(Profil 2) |
| <input type="checkbox"/> <b>Familiärentypisierung (Spendersuche Kernfamilie)</b><br>HLA-A*, -B*, -C*, -DRB1*, -DQB1* <b>IR/LR</b><br>bei Übereinstimmung mit Patient zusätzlich:<br>HLA-DRB1*, -DQB1*, -DPB1* <b>HR</b> | <b>Material: 10ml EDTA-Blut</b><br>(Profil 3) |
| <input type="checkbox"/> <b>Familiärentypisierung (Bestätigungstypisierung)</b><br>HLA-A*, -B*, -C*, -DRB1*, -DQB1*, DPB1* <b>HR</b>  | <b>Material: 10ml EDTA-Blut</b><br>(Profil 9) |
| <input type="checkbox"/> <b>Fremdspenderentypisierung</b><br>HLA-A*, -B*, -C*, -DRB1*, -DQB1*, DPB1* <b>HR</b>  | <b>Material: 10ml EDTA-Blut</b><br>(Profil 4) |

**Diagnose:**

---

**Entnahmedatum/Uhrzeit:** \_\_\_\_\_ **Unterschrift:** \_\_\_\_\_

Zusammensetzung der Profile entsprechend den DGI, ZKRD und EFI-Standards

**LR** low Resolution

**IR** intermediate Resolution (Klasse I: Exon 2+3; Klasse II: Exon 2): kein Ausschluss von Null-Allelen und Ambiguitäten, Befund-Code\* für sequenzhomologe Allele und Allelkombinationen, ggf. Angabe des serologischen Äquivalents

**HR** high Resolution: Zusätzlich zur IR: Ausschluss von Null-Allelen und Ambiguitäten

\* Code: [www.ebi.ac.uk/imgt/hla/ambig.html](http://www.ebi.ac.uk/imgt/hla/ambig.html)