



Institut für Immunologie und Genetik, Pfaffplatz 10, 67655 Kaiserslautern

<b>Einsender:</b>	<b>Patientendaten:</b>
-------------------	------------------------

### Genotypische Resistenzbestimmung – HBV \*

**Material:** 3 ml EDTA-Blut (HBV-DNA  $\geq 10^3 - 10^4$  cop/ml)

**Zus. Daten:**

HBVeAg: pos  neg  HBV-DNA: \_\_\_\_\_

**Klinische Einstufung:**

<input type="checkbox"/> therapienaiv (Nukleo(s)t)id-Analoga, auch HIV	<input type="checkbox"/> compliant
<input type="checkbox"/> therapienaiv (Interferon)	<input type="checkbox"/> non-compliant
<input type="checkbox"/> Therapieversager (Nukleo(s)t)id-Analoga	<input type="checkbox"/> HIV+
<input type="checkbox"/> Therapieversager (Interferon)	<input type="checkbox"/> HCV+

**Therapiehistorie, kumulativ** (alle antiviralen Medikamente bisher):

<b>HBV-Therapie enthielt:</b> <input type="checkbox"/> LAM (Zeffix®) <input type="checkbox"/> ADV (Hepsera®) <input type="checkbox"/> ETV (Baraclude®) <input type="checkbox"/> TDF (Tenofovir) <input type="checkbox"/> LdT (Sebivo®) <input type="checkbox"/> L-FMAU (Clevudine) <input type="checkbox"/> Interferon-2 <input type="checkbox"/> sonstiges: _____	<b>HIV-Therapie enthielt:</b> <input type="checkbox"/> 3TC <input type="checkbox"/> FTC <input type="checkbox"/> TDF	<b>HCV-Therapie enthielt:</b> <input type="checkbox"/> Ribavirin <input type="checkbox"/> PEG-Interferon
--	---	--

**Letzte Therapie vor Genotypisierung**

<b>HBV-Therapie enthält:</b> <input type="checkbox"/> LAM (Zeffix®) <input type="checkbox"/> ADV (Hepsera®) <input type="checkbox"/> ETV (Baraclude®) <input type="checkbox"/> TDF (Tenofovir) <input type="checkbox"/> LdT (Sebivo®) <input type="checkbox"/> L-FMAU (Clevudine) <input type="checkbox"/> Interferon-2 <input type="checkbox"/> sonstiges: _____	<b>HIV-Therapie enthält:</b> <input type="checkbox"/> 3TC <input type="checkbox"/> FTC <input type="checkbox"/> TDF	<b>HCV-Therapie enthält:</b> <input type="checkbox"/> Ribavirin <input type="checkbox"/> PEG-Interferon
---	--	---

**\*Die Untersuchungsanforderung setzt zur Einstellung der Sequenzierreaktion eine parallele quantitative HBV-DNA-Bestimmung voraus.**

**Entnahmedatum/Uhrzeit:** \_\_\_\_\_ **Unterschrift:** \_\_\_\_\_